

# 大型仪器网络管理系统用户手册

## (普通用户)

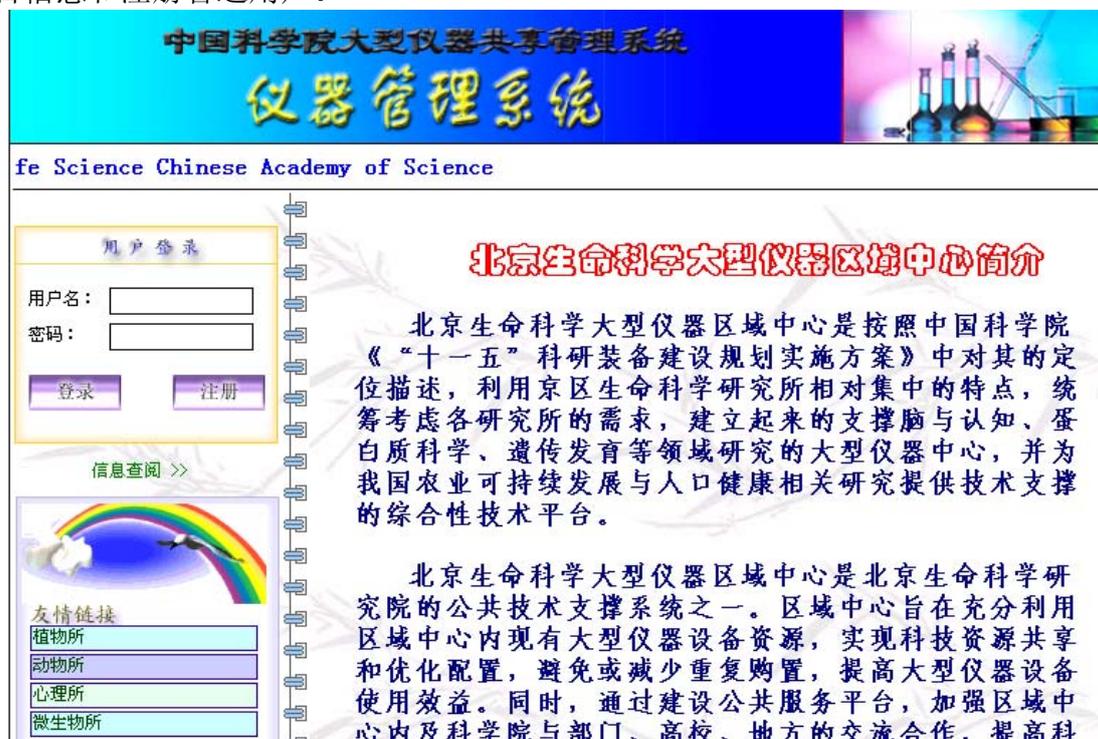
### V1.1

使用说明.....	2
1 系统登陆.....	2
1.1 用户登录.....	3
1.2 注册普通用户.....	3
1.3 信息查阅.....	4
2 注册用户使用说明.....	6
2.1 普通用户.....	6
2.1.1 信息查阅.....	7
2.1.2 预约、收费.....	8

# 使用说明

## 1 系统登陆

首页面如下图所示，没有登录的用户不具有任何权限，可以查看仪器信息、分析项目信息和注册普通用户。



### 1.1 用户登录

用户可以通过左上方的登录框进行登陆，登录框验证用户的用户名和密码，如果无误则用户进入首页面，并且在左边根据用户类型列用户所享有的功能模块。用户分为四种类型：

- [普通用户](#)
- [仪器操作人员](#)
- [样品接受人员](#)
- [系统管理员](#)

### 1.2 注册普通用户

点击页面上的注册按钮进入用户注册界面，填写完各条后点击提交即可，但需经过管理员审核同意后方可成为普通用户。



### 1.3 信息查阅

非注册用户可以查阅系统中的仪器信息和分析项目信息。  
 仪器浏览



点击信息查阅栏的仪器浏览，进入仪器浏览界面。界面将显示中心所管理的全部仪器信息，内容有仪器名称、所能进行的分析项目、仪器的预约类型即按时间预约还是按分析项目预约。当鼠标移动到仪器的名称上时，会显示该仪器的所属单位、仪器

的功能介绍、收费情况、联系操作员等信息。界面上还提供仪器名称、分析项目、单位名称和预约类型四个检索选择条件，您可以设置检索条件后，点击搜索，界面将显示符合条件的仪器项。

### 分析项目浏览

**中国科学院大型仪器共享管理系统 仪器管理系统**  
北京生命科学研究院 Beijing Institutes of Life Science Chinese Academy of Science

用户登录  
用户名:   
密码:   
[登录] [注册]

信息查阅 >>  
仪器浏览  
分析项目

友情链接  
植物所  
动物所  
心理所  
微生物所

### 分析项目列表

形态: 被试 事件相关脑电位	形态: 生物大分子 脑内酶解 带蛋白酶解产物(不含酶)	溶液酶解 银染条带蛋白酶解产物(不含酶解)	小分子及多肽分子量测定 磷酸化修饰位点鉴定 肽指纹图谱分析(PMF)
分溶液液蛋白样品分析	全蛋白组分液样品分析	非磷酸化蛋白修饰质谱鉴定	二硫键定位分析 多肽或小分子MSn分析 点样
蛋白质质谱数据检索 蛋白质分子量测定 蛋白质翻译后修饰分析	核酸分子量测定 肽末端测序		
形态: 生物大分子电泳 扫描荧光标记的电泳胶 PDQuest分析凝胶之间的差异蛋白	扫描曝光磷32标记的杂交膜 凝胶上蛋白质点的切取	扫描电泳凝胶	

点击信息浏览栏的分析项目，进入分析项目浏览界面。界面将显示系统所可以进行的所有分析项目。点击每条分析项目可以进入可以进行该项目分析的相关仪器列表

**中国科学院大型仪器共享管理系统 仪器管理系统**  
北京生命科学研究院 Beijing Institutes of Life Science Chinese Academy of Science

用户登录  
用户名:   
密码:   
[登录] [注册]

信息查阅 >>  
仪器浏览  
分析项目

友情链接  
植物所  
动物所  
心理所  
微生物所

### 仪器列表

仪器名称: MALDI-TOF质谱仪AXIMA-CFRM Plus	项目预约
分析项目: 蛋白质分子量测定,	
仪器名称: MALDI-TOF质谱仪 autoflex	时间预约
分析项目: 蛋白质分子量测定	
仪器名称: 液相色谱-质谱联用仪LCQ Deca xp plus	项目预约
分析项目: 蛋白质分子量测定	
仪器名称: MALDI-TOF质谱仪ABI4700	项目预约
仪器所属单位: 中国科学院微生物研究所	
分子量测定; 蛋白质鉴定 (PMF, PSD, CID);	

## 2 注册用户使用说明

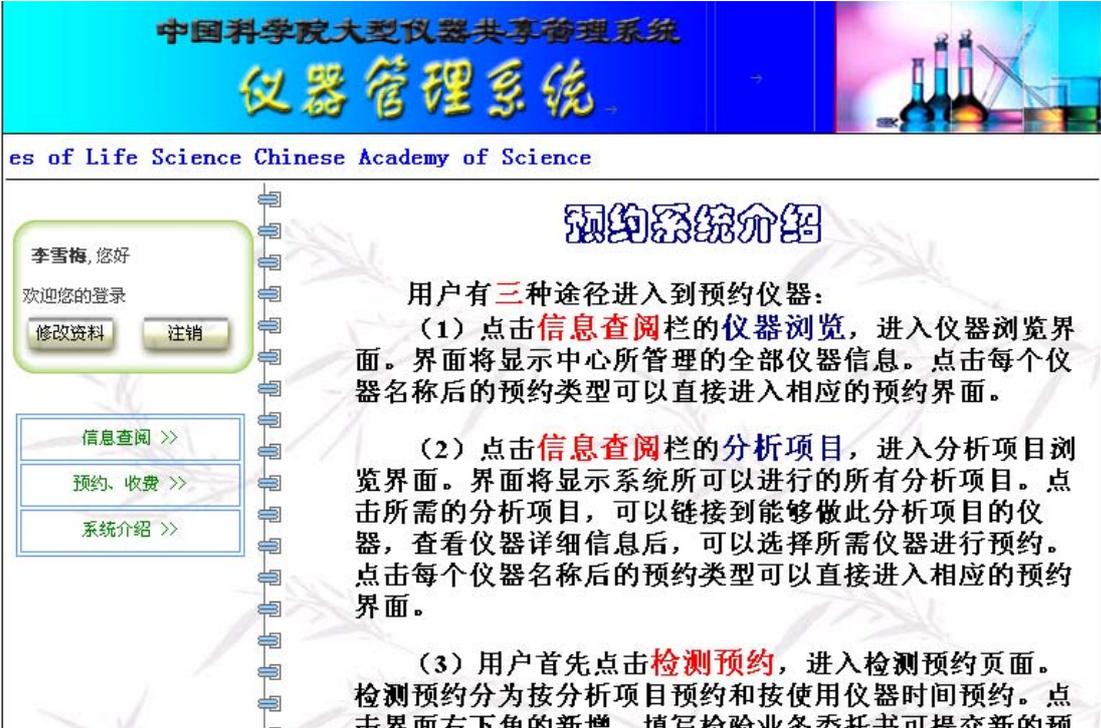
[普通用户](#)  
[仪器操作员](#)  
[样品接受员](#)  
[系统管理员](#)

## 2.1 普通用户

普通用户是享有权限最低的用户类型，享有的功能模块为：

[信息查阅](#)  
[预约、收费](#)  
[系统介绍](#)

登陆后进入普通用户页面，如下图所示：



中国科学院大型仪器共享管理系统  
仪器管理系统

es of Life Science Chinese Academy of Science

李雪梅, 您好  
欢迎您的登录  
修改资料 注销

信息查阅 >>  
预约、收费 >>  
系统介绍 >>

### 预约系统介绍

用户有三种途径进入到预约仪器：

(1) 点击**信息查阅**栏的**仪器浏览**，进入仪器浏览界面。界面将显示中心所管理的全部仪器信息。点击每个仪器名称后的预约类型可以直接进入相应的预约界面。

(2) 点击**信息查阅**栏的**分析项目**，进入分析项目浏览界面。界面将显示系统所可以进行的所有分析项目。点击所需的分析项目，可以链接到能够做此分析项目的仪器，查看仪器详细信息后，可以选择所需仪器进行预约。点击每个仪器名称后的预约类型可以直接进入相应的预约界面。

(3) 用户首先点击**检测预约**，进入检测预约页面。检测预约分为按分析项目预约和按使用仪器时间预约。点击界面右下角的新增 填写检验业务委托书可提交新的预

### 2.1.1 信息查阅

信息查阅分为仪器浏览和分析项目浏览。

#### 仪器浏览

**中国科学院大型仪器共享管理系统**  
**仪器管理系统**

jing Institutes of Life Science Chinese Academy of Science

李雪梅, 您好  
欢迎您的登录

[修改资料](#) [注销](#)





## 仪器列表

仪器名称:  项目:

单位名称:  预约类型:  [搜索](#)

<a href="#">信息查阅 &gt;&gt;</a> <a href="#">预约</a> <a href="#">系统介绍</a>	<a href="#">仪器浏览</a> <a href="#">分析项目</a>	<table border="1" style="width: 100%; border-collapse: collapse;"> <tr> <td style="width: 80%;">名称: X-ray衍射数据收集系统 Rigaku FR-E Bluemax</td> <td style="width: 20%; text-align: right;">时间预约</td> </tr> <tr> <td colspan="2">项目: 蛋白质及生物大分子X-射线单晶衍射数据收集,</td> </tr> <tr> <td style="width: 80%;">仪器名称: 液相色谱-质谱联用仪 NanoLC-LIQ</td> <td style="width: 20%; text-align: right;">项目预约</td> </tr> <tr> <td style="width: 30%;">仪器所属单位:</td> <td>中国科学院生物物理研究所</td> </tr> <tr> <td style="width: 30%;">仪器功能:</td> <td>用于多肽、蛋白质、有机化合物的质谱表征; 应用于蛋白质组学研究, 包括复杂蛋白质混合物中筛选并鉴定蛋白质翻译后修饰, 同位素标记的定量蛋白组, 解析蛋白的一些共价和非共价的相互作用。</td> </tr> </table>	名称: X-ray衍射数据收集系统 Rigaku FR-E Bluemax	时间预约	项目: 蛋白质及生物大分子X-射线单晶衍射数据收集,		仪器名称: 液相色谱-质谱联用仪 NanoLC-LIQ	项目预约	仪器所属单位:	中国科学院生物物理研究所	仪器功能:	用于多肽、蛋白质、有机化合物的质谱表征; 应用于蛋白质组学研究, 包括复杂蛋白质混合物中筛选并鉴定蛋白质翻译后修饰, 同位素标记的定量蛋白组, 解析蛋白的一些共价和非共价的相互作用。
名称: X-ray衍射数据收集系统 Rigaku FR-E Bluemax	时间预约											
项目: 蛋白质及生物大分子X-射线单晶衍射数据收集,												
仪器名称: 液相色谱-质谱联用仪 NanoLC-LIQ	项目预约											
仪器所属单位:	中国科学院生物物理研究所											
仪器功能:	用于多肽、蛋白质、有机化合物的质谱表征; 应用于蛋白质组学研究, 包括复杂蛋白质混合物中筛选并鉴定蛋白质翻译后修饰, 同位素标记的定量蛋白组, 解析蛋白的一些共价和非共价的相互作用。											

点击信息浏览栏的仪器浏览, 进入仪器浏览界面。界面将显示中心所管理的全部仪器信息, 内容有仪器名称、所能进行的分析项目、仪器的预约类型即按时间预约还是按分析项目预约。当鼠标移动到仪器的名称上时, 会显示该仪器的所属单位、仪器的功能介绍、收费情况、操作员联系等信息。界面上还提供仪器名称、分析项目、单位名称和预约类型四个检索选择条件, 您可以设置检索条件后, 点击搜索, 界面将显示符合条件的仪器项。

点击每个仪器名称后的预约类型可以直接进入相应的预约界面。如何预约将在下面介绍。

### 分析项目浏览

**中国科学院大型仪器共享管理系统**  
**仪器管理系统**

北京生命科学研究院 Beijing Institutes

李雪梅, 您好  
欢迎您的登录  
[修改资料](#) [注销](#)

**分析项目列表**

形态: 被试		
事件相关脑电位		
形态: 生物大分子		
蛋白酶解产物(不含酶)	溶液酶解 银染条带蛋白酶解产物(不含酶解)	小分子及多肽分子量测定
溶液蛋白样品分析	全蛋白组分流样品分析	磷酸化修饰位点鉴定
蛋白质组数据检索	非磷酸化蛋白修饰质谱鉴定	肽指纹图谱分析(PMF)
蛋白质分子量测定	核酸分子量测定	二硫键定位分析
蛋白质翻译后修饰分析	肽末端测序	多肽或小分子MSn分析
形态: 生物大分子电泳		
扫描荧光标记的电泳胶	扫描曝光磷32标记的杂交膜	扫描电泳凝胶
PDQuest分析凝胶之间的差异蛋白	凝胶上蛋白质点的切取	

点击信息浏览栏的分析项目，进入分析项目浏览界面。界面将显示系统所可以进行的所有分析项目。点击每条分析项目可以进入可以进行该项目分析的相关仪器列表

## 2.1.2 预约、收费

检测预约分为按分析项目预约和按使用仪器时间预约。

按分析项目预约

**中国科学院大型仪器共享管理系统**  
**仪器管理系统**

science

李雪梅, 您好  
欢迎您的登录  
[修改资料](#) [注销](#)

**检测预约**

分析项目	委托人	预约日期	状态	结果	修改	查看	删除	复制
肽指纹图谱分析(PMF)	李雪梅/薛飞	2009-01-13	已同意	完成		查看		复制
溶液酶解, 肽指纹图谱分析(PMF)	李雪梅 Vlishuang	2009-01-05	已同意	完成		查看		复制
肽指纹图谱分析(PMF)	李雪梅/薛飞	2008-12-30	已同意	完成		查看		复制

[上一页](#) [下一页](#) [尾页](#) 共3个分析项目 每页20个 页次: 第1/1页 跳到第  页 新增

Copyright © 2005 元素科技软件咨询有限责任公司 版权所有

点击预约栏的分析项目预约，进入分析项目预约界面。界面将显示您帐户上以前所有的分析项目预约。您可以看到您帐户上已经提交的预约的分析项目、委托人、预约日期、状态即是否同意或未审批、结果既是在过程中或已经完成分析。如果是未

审批，您可以点击该预约的修改栏，弹出您的委托单进行修改，也可以点击该预约的删除栏取消您的预约。如果状态是同意，请点击该预约单，查阅审核人员安排给您的送样时间和完成时间以及答复。

如果您要提交新的预约，点击界面右下角的新增。此时将显示一个空的检测业务委托书供您填写。

检验业务委托书

管理编号：SEAC/CX-4.4-02-01 委托书编号：系统自动编号

兹请您单位协助完成以下检验业务，提供检验项目得检验记录，请给予协助。

2009年02月02日

选择仪器			
*样品编号		*样品数量	:
*送样时间	:	完成时间	:
样品处理	<input checked="" type="radio"/> 损耗 <input type="radio"/> 处理 <input type="radio"/> 退回		
*样品形态	▼		
样品信息及前处理方式	是否由中心负责前处理： <input type="radio"/> 是 <input checked="" type="radio"/> 否		
检测项目			
备注			

首先您可以点击选择仪器栏目的空白处，系统将提供所有的仪器列表供您选择，您只要点击位于要选择的仪器右边的选择框，选择框即打钩表示选中，最后点击确定返回委托单。

样品编号为必填项。您可以填您的样品编号，也可以填见样品袋或样品瓶等。样品数量也是必填项。

送样时间和完成时间是必填项，但此时只是告知您所希望的送样时间和完成时间。

样品处理指的是样品分析后的处理方式，损耗是样品在分析中被消耗掉，表示样品仅够分析需要，分析完成后不会有样品留存，处理是样品分析完成后剩余样品按规定保留一段时间，以便当您对分析结果有异议时，可以重检。保留时间过后，由分析人员自行处理。退回是指样品分析完成后，剩余样品将退还给您。委托单初始定为损耗，您可以按照具体情况自行选择。

样品形态是必填项。您只能在下拉菜单中选择。

前处理方式指的是样品上仪器分析前是否需要由分析部门进行前处理。委托单初始定义为否，表示样品上仪器检测时不需要分析部门进行前处理。如果样品是由您前处理的，最好填写您的前处理方式、过程和结果，以便分析人员了解您的前处理情况，便利进一步的仪器分析。

检测项目是必填项。点击检测项目栏的空白处，弹出相应的检测项目列表，点击位于您所希望的检测项目左边的选择框，选中该项目，您可以选多项。选择完毕后点击确定，返回委托单。

检测方法是必填项。点击检测方法栏的空白处，弹出相应的检测方法列表，如果您希望的检测方法在表中有，点击位于该方法左边的选择框，选中该方法。如果您所希望的方法在表中没有或您不能指定方法，点击指定左边的选择框，此时将在指定

的右边出现填写框，请您在框中填写您自己的方法名称或填请分析人员决定或填研究。最后点击确定，返回委托单。

委托单位中的各项都是必填项。委托人员也是必填项。请您在下拉菜单中选择您的单位，填写您的联系电话、email地址和您的姓名，以便分析人员和您联系。

承检单位中如果是您自己上仪器操作，请填写您自己的单位、联系电话、email地址和姓名，如果不是自己上仪器操作，可以不填。

如有其它要说明的地方可以在备注栏填写。

填写完毕，检查无误后，点击提交。完成预约。

如果本次预约和您以前的某个预约基本类似，您可以找到那个预约，点击该预约栏的复制，系统将弹出一个复制成功的对话框，点击确定，此时您就可以看到在预约显示的最上方出现一个新的预约。点击该预约的修改栏，弹出委托单，根据情况修改送样时间、完成时间以及其他需要修改的内容，修改完毕后点击提交即可。

### 按仪器使用时间预约

委托人	预约日期	预约时间段	状态	结果	修改	查看	删除	复制
李雪梅/zhang	2008-11-05	理学FR-E X-ray衍射数据收集系统 日期：11月5日12点-11月5日16点,	已同意			查看		复制
李雪梅	2008-11-05	理学FR-E X-ray衍射数据收集系统 日期：11月6日8点-11月6日12点,	已同意			查看		复制
李雪梅	2008-11-05	理学FR-E X-ray衍射数据收集系统 日期：11月4日17点-11月4日18点,	已同意			查看		复制
李雪梅	2008-11-03	理学FR-E X-ray衍射数据收集系统 日期：11月3日8点-11月3日13点,	已同意	完成		查看		复制
李雪梅	2008-10-21	理学FR-E X-ray衍射数据收集系统 日期：10月19日9点-10月19日21点,	已同意	完成		查看		复制
李雪梅	2008-10-21	高压液相色谱仪 日期：10月20日8点-10月20日21点,	未审批		修改	查看	删除	复制
李雪梅	2008-10-21	Micromax007扫描波谱晶体数据收集 探测系统 日期：10月23日9点-10月23日23点, 10月24日9点-10月24日23点,	已同意	完成		查看		复制
李雪梅	2008-10-19	理学FR-E X-ray衍射数据收集系统 日期：10月22日8点-10月22日10点,	已同意	完成		查看		复制

点击预约栏的时间段预约，进入时间段预约界面。界面将显示您以前所有的时间段预约。您可以看到您帐户上已经提交的预约的委托人、预约日期、预约时间段、状态即是否同意或未审批、结果既是在过程中或已经完成分析。如果是未审批，您可以点击该预约的修改栏，弹出您的委托单进行修改，也可以点击该预约的删除栏取消您的预约。如果状态是同意，请点击该预约单，查阅审核人员安排给您的操作仪器时间以及答复。

如果您要提交新的预约，点击界面右下角的新增。此时将显示一个空的检测业务委托书供您填写。



**中国科学院大型仪器共享管理系统**

# 仪器管理系统

北京生命科学研究院 Beijing Institutes of Life Science Chinese Ac.

李雪梅, 您好

欢迎您的登录

[修改资料](#) [注销](#)



## 收费状况分析

分析条件: 委托时间: 从  到  收费:

承接单位:

承接单位的仪器名称:

[确定](#)

委托书编号	委托人	总价	样品数量	分析项目	付费
01-13-01	李雪梅/薛飞	1800.0	9	肽指纹谱图谱分析 (PMF)	未付
01-05-43	李雪梅\li shuang	600.0	2	溶液酶解, 肽指纹谱图谱分析 (PMF)	未付
12-30-03	李雪梅/薛飞	200.0	1	肽指纹谱图谱分析 (PMF)	未付
合计: 2600元 其中未付2600.0元 已付0.0元 免付0.0元 样品数12个					

[上一页](#) [下一页](#) [尾页](#) 共3个检测预约 每页30个 页次: 第1/1页 跳到第  页

[打印](#) [输出Excel](#)

点击预约、收费栏的个人收费状况，进入收费状况分析界面。界面将显示您帐户上以前所有预约的委托单号、委托人、总价、样品数量、分析项目和付费情况。界面上还提供委托时间、承检单位、仪器名称、收费四个检索选择条件，您可以设置检索条件后，点击确定，界面将显示符合条件的仪器项。

点击界面下方的输出Excel，系统将把分析结果输出为Excel文件。